

seqlist.txt

SEQUENCE LISTING

<110> Novartis AG
McCullough, Karen
Wolfgang, Curt

<120> USE OF GENETIC POLYMORPHISMS TO PREDICT
DRUG INDUCED HEPATOTOXICITY

<130> DV/4-33390A

<150> 60/508,972
<151> 2003-10-06

<160> 18

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> variation
<222> (1)...(20)
<223> PG locus ID 279; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 541 - 560; "C" variant at
position 549

<221> variation
<222> (9)...(0)
<223> C

<400> 1
aggcaacacc attgaaggct

20

<210> 2
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> variation
<222> (1)...(20)
<223> PG locus ID 279; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 541 - 560; "T" variant at
position 549

<221> variation
<222> (9)...(0)
<223> T

<400> 2
aggcaacatc attgaaggct

20

<210> 3
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> variation
<222> (1)...(20)
<223> PG locus ID 302; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 6270 - 6290; "G" variant at

seqlist.txt

position 6282

<221> variation
<222> (12)...(0)
<223> G

<400> 3 agcctaggc agcacctttt 20

<210> 4
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> variation
<222> (1)...(20)
<223> PG locus ID 302; interleukin 1, alpha gene
(X03833) positions 6270 - 6290; "T" variant at
position 6282

<221> variation
<222> (12)...(0)
<223> T

<400> 4 agcctaggc atcacctttt 20

<210> 5
<211> 19
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(19)
<223> PCR primer 2D6L1F1

<400> 5 ctgggctggg agcagcctc 19

<210> 6
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(23)
<223> PCR primer 2D6L1R1

<400> 6 cactcgctgg cctgtttcat gtc 23

<210> 7
<211> 22
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(22)
<223> PCR primer 2D6L2F

<400> 7 ctggaatccg gtgtcgaagt gg 22

<210> 8

seqlist.txt

<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(20)
<223> PCR primer 2D6L2R2

<400> 8
ctcgccccct gcactgtttc 20

<210> 9
<211> 22
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(22)
<223> PCR primer 2D6L3F

<400> 9
gaggcaagaa ggagtgtcag gg 22

<210> 10
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(23)
<223> PCR primer 2D6L3R5B

<400> 10
agtcctgtgg tgaggtgacg agg 23

<210> 11
<211> 19
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(19)
<223> PCR primer CYP3A4Exon10F

<400> 11
tggatggccc acattctcg 19

<210> 12
<211> 20
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(20)
<223> PCR primer CYP3A4Exon10R

<400> 12
cttcctacat agagtcagtg 20

<210> 13
<211> 21
<212> DNA
<213> Homo sapiens

Seqlist.txt

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(21)
<223> PCR primer PXR 252 F

<400> 13
ggacacagag tctgttcctg g 21

<210> 14
<211> 22
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(22)
<223> PCR primer PXR 252 R

<400> 14
gaagatgaag gattcctctg gg 22

<210> 15
<211> 23
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(23)
<223> PXR 11156 F

<400> 15
gacaaggcta cgctgacaat cag 23

<210> 16
<211> 24
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(24)
<223> PXR 11156 R

<400> 16
gcttcgttat gtttctattt ccac 24

<210> 17
<211> 21
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind
<222> (1)...(21)
<223> PXR 24113 F

<400> 17
cggagcaaag aacttaccac c 21

<210> 18
<211> 21
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> primer_bind

Seqlist.txt

<222> (1)...(21)
<223> PXR 24113 R

<400> 18
tgccaggacca gagagcatca g

21